

COMMUNICATIONS BRÈVES

SUR LA LOCALISATION DU GROUPE DE LIAISON

*R₁ Yg₂ Lc₁ (groupe de liaison n° 1 de *G. hirsutum*)*

L'étude de la descendance d'un croisement entre *G. hirsutum* et *G. anomalum* a permis d'observer divers cas d'aneuploïdie. L'un d'eux a retenu particulièrement l'attention : l'examen de la métaphase d'un individu particulier a permis, en effet, de mettre en évidence la perte d'un bras de chromosome. La succession des croisements ayant fait intervenir la souche T414 triple récessive [*r₁ yg₂ lc₁*] la souche aneuploïde ainsi isolée était de phénotype [*r₁ yg₂ lc₁*].

Diverses raisons, et en particulier l'apparition de ce phénotype, donnant à penser que le chromosome concerné était porteur du groupe de liaison n° 1 de *G. hirsutum*, cet individu a été croisé par la race marquée SM1 de phénotype [*R₁ Yg₂ Lc₁*] (pétale maculé, plante verte, coloration brune de la fibre). En génération F1 cinq individus porteurs de l'aberration chromosomique citée ont été sélectionnés par examen systématique des plaques métaphasiques.

Ces individus ayant servi de géniteurs mâles dans un rétrocroisement de la F1 par la race T414 triple récessive [*r₁ yg₂ lc₁*], les résultats obtenus ont été les suivants :

315 individus ont exprimé le phénotype [*R₁ Yg₂ Lc₁*]

12 individus ont exprimé le phénotype [*r₁ yg₂ lc₁*].

L'appariement du chromosome remanié ne s'effectuant bien entendu avec son partenaire normal que par un bras, on en déduit que le bras perdu était porteur de la totalité du groupe de liaison cité.

Cette ségrégation tend donc à montrer que le groupe de liaison n° 1 de *G. hirsutum* est localisé sur un bras de chromosome. En outre, le télacentrique étudié n'a été transmis par les gamètes mâles que dans la proportion de 4 %. La possibilité d'obtenir cette aberration chromosomique à l'état homozygote est actuellement en cours d'étude.

C. POISSON,

Laboratoire de Cytogénétique de
la station de Bouaké
(Côte d'Ivoire).